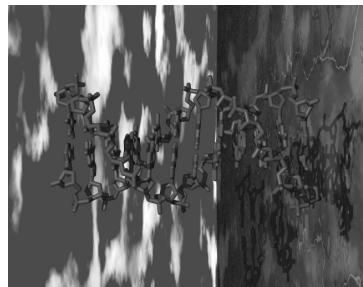


## EML-BIORUNDE DNA/RNA II



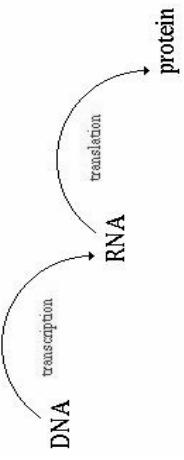
### Outline

- Fluss der genetischen Information
- Der genetische Code
- Replikation und Fehlerkorrektur
- Transkription
  - Unterschiede DNA <-> RNA
  - Posttranskriptionale Veränderungen

### Zentrales Dogma der Biochemie

- Der Fluss der genetischen Information verläuft von der DNA zur RNA zum Protein.

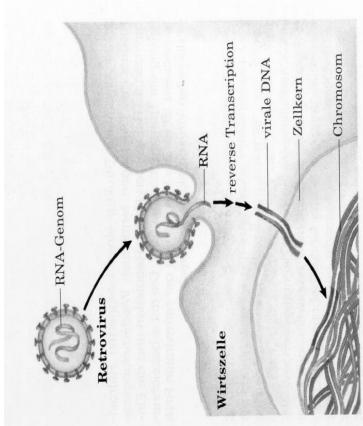
### Zentrales Dogma der Biochemie



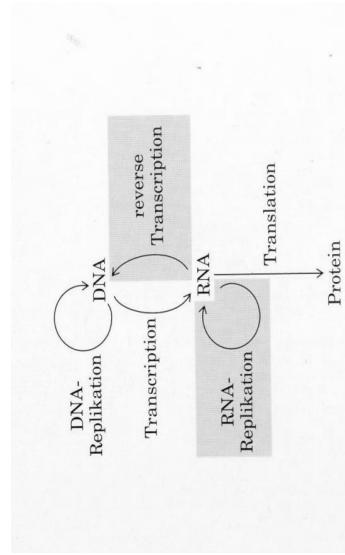
Zentrales Dogma der Biochemie

- Der Fluss der genetischen Information verläuft von der DNA zur RNA zum Protein.
  - Zumindest bis 1964, als zum ersten mal die Hypothese aufkam (Howard Temin), dass RNA Viren DNA aus ihrer RNA bilden können.
  - Als dann 1970 Temin und Baltimore tatsächlich das verantwortliche Enzym (Reverse Transkriptase) fanden, mussten die Lehrbücher umgeschrieben werden.

## Zyklus eines Retrovirus



Erweitertes Dogma



Der genetische Code

- der genetische Code besteht aus Nukleinsäure Triplets.
  - alle Organismen benutzen denselben genetischen Code. (Zumindest fast!)
  - Der genetische Code einzelner Tiergruppen unterscheidet sich leicht. (Es gibt ca. 15 unterschiedliche Codetabellen)
  - Selbst die Mitochondrien benutzen einen etwas anderen genetischen Code als der Zellkern.

## Tabelle für den genetischen Code

## Replikation

- Die Verdopplung der DNA bezeichnet man als Replikation
  - 1955 Arthur Kornberg et al. suchen Enzym zu DNA Synthese
    - Enzym schnell gefunden
    - 10 Jahre bis zur vollständigen Isolierung und Charakterisierung (100 Kg E. coli → 500 mg Enzym)
    - Enzym wurde DNA Polymerase genannt

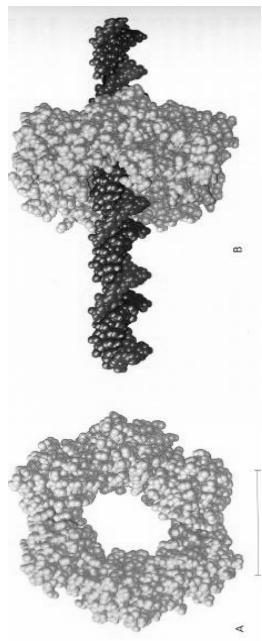
## Funktion der DNA Polymerase

- DNA Polymerase war das erste bekannte matrizenabhängige Enzym.
  - DNA-Pol synthetisiert ausgehend von einer DNA Doppelhelix eine identische Kopie derselben.
  - DNA-Pol hängt kontinuierlich Nukleotide an das 3'-Ende des neuen DNA Stranges. Man sagt, DNA wird in 5'–3'–Richtung synthetisiert.
  - DNA-Pol ist nicht das einzige Enzym, das für die DNA Verdopplung benötigt wird.

## Replikation

- Technische Daten der DNA Polymerase III:
    - hängt ca. 1000 Nukleotide pro Sekunde an
    - synthetisiert beide Strände gleichzeitig in 5'-3' -Richtung
    - entfernt falsch angehängte Nukleotide
    - Fehlerhäufigkeit von  $10^{-7}$

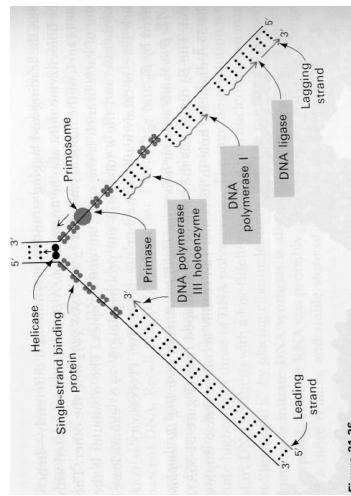
## DNA Polymerase III



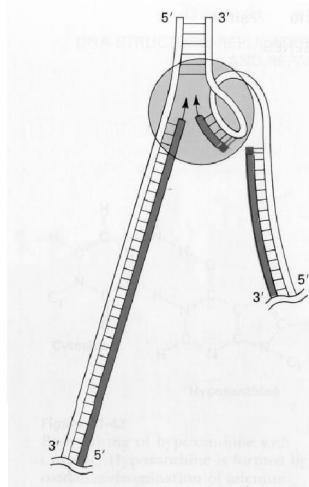
## Replikation

- DNA Helikase bindet an den Replikationsursprung und entwindet ein Stück DNA.
- 'Single Stand binding protein' bindet an die entwundene DNA und hindert sie so daran, sich wieder zusammenzulagern.
- Primase synthetisiert ein kurzes Stück RNA an der entwundenen Stelle, welches der DNA-Pol als Start dient.
- DNA-Pol synthetisiert komplementäre DNA an beide Einzelstränge.

## Replikationsgabel



## Replikationsgabel



## Replikation ist semikonservativ

- Da die neu synthetisierten DNA Strände jeweils einen alten und einen neuen Strang enthalten, bezeichnet man die Replikation als einen semikonservativen Prozess

## DNA Polymerasen

- DNA Polymerase I:
  - zuerst entdeckt (Kronenberg, s.o.)
  - entfernt den Primer und füllt Lücken bei der Replikation
  - nur 1/10 der Größe der RNA Polymerase III
  - zusätzlicher Reparaturmechanismus

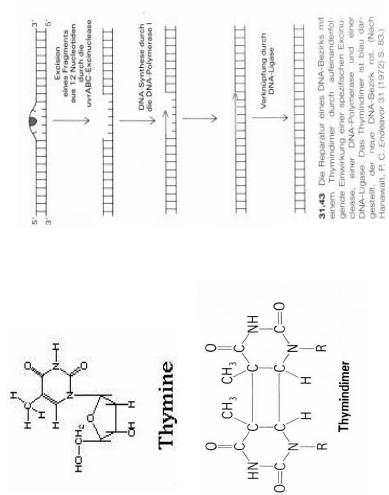
## DNA Polymerasen

- DNA Polymerase II:
  - wichtig für die Reparatur der DNA
- DNA Polymerase III:
  - Replikation der DNA (s.o.)
  - chemische Mutagene
    - direkte Veränderungen an der DNA
      - Einlagerung in die DNA -> falsche Basenpaarung -> fehlerhafte Replikation

## Ursachen von Mutationen

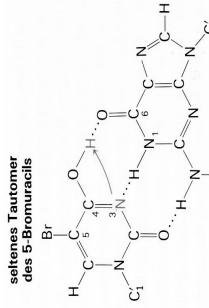
- Fehlerhafte Replikation
- spontane chemische Veränderungen der DNA
- chemische Veränderungen der DNA durch äußere Einflüsse
  - Strahlung (UV, Radioaktivität)
  - chemische Mutagene
    - direkte Veränderungen an der DNA
      - Einlagerung in die DNA -> falsche Basenpaarung -> fehlerhafte Replikation

## Thymindimere durch UV

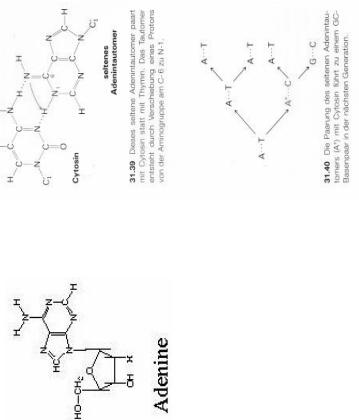


## chemische Mutagenese

- Thymidinanalogen wird statt Thymin in DNA eingebaut
- paart gelegentlich mit Guanin anstatt mit Adenin



## Adenintautomer



## Fehlerrate der Replikation

- Fehlerrate bei der Replikation durch DNA Polymerase III:  $10^{-7}$
- $\rightarrow$  theoretisch ca. 400 Fehler bei der Replikation des menschlichen Genoms, aber
  - Fehlerrate nach der Korrektur durch verschiedene Reparatursysteme:  $10^{-10}$
  - $\rightarrow$  nur noch ca. 0.3 Fehler bei der Replikation des menschlichen Genoms

## Replikation in Eukaryonten

- zwei DNA Polymerasen zur Replikation der Kern DNA
- zwei DNA Polymerasen zur Reparatur der Kern DNA
- eine DNA Polymerase zur Replikation der Mitochondrien DNA
- DNA Polymerasen können lineare DNA nicht vollständig synthetisieren → Telomerase muss Ende anhängen

## Telomerase

- Eukaryontische DNA Polymerasen können weder 3'-5' replizieren noch DNA Ketten ohne Primer (s.o.) beginnen → an einem neu synthetisierten Strang einer replizierten DNA fehlt ein Stück am 5'-Ende
- Damit die DNA nicht immer kürzer wird, muss das 5'-Ende von einem anderen Enzym, der Telomerase, ergänzt werden.
- Die Telomerase hängt mehrere hundert Wiederholungen einer spezifischen Sequenz an das 5'-Ende eines DNA Stranges (Telomer).

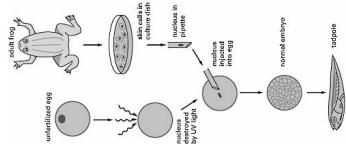
## Telomerase

- Telomerase ist nur in Keimzellen, Krebszellen und in Zellen asexuell fortpflanzungsfähigen Organismen (z.B. Hefe) aktiv.
- Telomerase wird in den meisten Zellen von sich sexuell fortpflanzenden Organismen zu einem bestimmten Zeitpunkt abgeschaltet.
  - Das geklonte Schaf Dolly ist genetisch gesehen so alt, wie ihre Mutter!

## Was ist Klonen?

- Man nimmt eine Eizelle und zerstört deren Zellkern
- Man entnimmt einer Zelle eines Tieres **derselben** Tierart den Zellkern und transferiert ihn in die Eizelle ohne Zellkern.
- Man erhält eine Eizelle mit den genetischen Eigenschaften des ausgewachsenen Tieres von dem der Zellkern entnommen wurde, d.h.
  - die Telomere sind bereits verkürzt

## Klonen



## Replikationsgeschwindigkeit

- Prokaryonten (Mycoplasma)
  - 760000 Basen / 1000 Basen/sek = 760 sek = 13 min
- Eukaryonten (Mensch)
  - 3 000 000 000 Basen / 1000 Basen/sek = 3 000 000 sek = 50 000 min = 833 Stunden = 35 Tage (Eine einzige Polymerase ist viel zu langsam! ->)
  - Viele DNA Polymerasen replizieren die DNA gleichzeitig
  - Noch nicht ganz fertig replizierte DNA wird an den replizierten Stellen gleich erneut repliziert.

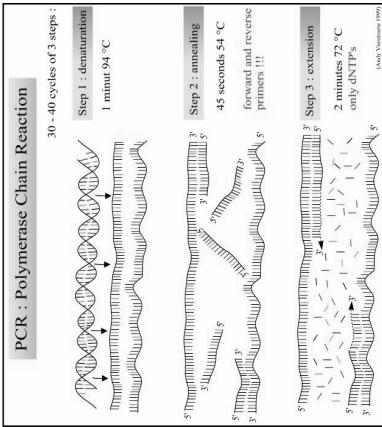
## Polymerasekettenreaktion (PCR)

- 1984 von Kary Mullis entwickelt
- wichtige Methode zur Verifizierung spezifischer DNA Sequenzen
- sehr empfindlich: 10 Tuberkelbakterien können unter einer Million menschlicher Zellen aufgespürt werden
- Anwendung in der medizinischen Diagnostik, Forensik und der molekularen Evolution

## Polymerasekettenreaktion (PCR)

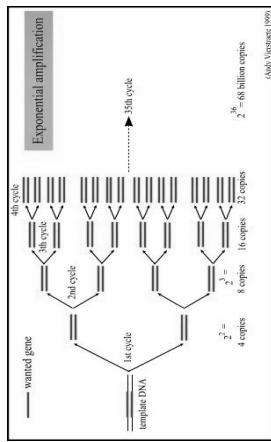
- eine PCR besteht im wesentlichen aus mehreren Wiederholungen folgender drei Schritte:
  - Trennung der beiden Strände durch Hitze
  - Anlagerung der Primer an den Anfang des zu replizierenden Stücks auf jedem Strang
  - Synthese des komplementären Stranges durch DNA Polymerase I

# PCR



# PCR Amplifizierung

Da jedes neue DNA Stück in der nächsten Runde wieder als Matrize dient, verläuft das Wachstum exponentiell.



# medizinische Diagnostik

- der Erfolg einer Krebstherapie kann bestimmt werden, indem man nach Genen sucht, die spezifisch für Krebszellen sind.
- ist das Gen bekannt, das für eine bestimmte Krankheit verantwortlich ist, kann man eine Person auf dieses Gen testen
  - HIV Viren sind schon nachweisbar, bevor eine Immunreaktion eingesetzt hat

# Forensik

- eine Haarwurzel oder eine Samenzelle enthält genug DNA, um einen Täter anhand eines DNA-Vergleichs eindeutig zu identifizieren
- Man benutzt für diesen Vergleich oft den Bereich des Genoms, der für Immunproteine (Antigene) codiert. Dieser Bereich ist für jedes Individuum einzigartig und nur unter nahen Verwandten sehr ähnlich (-> Organtransplantation)

## molekulare Evolution

- Gene von 2400 Jahre alten Mumien, 30 Mio. Jahre alten Termiten und anderen fossilen Funden wurde bereits analysiert.
- Analyse gibt Einblicke in die Evolution dieser Tier- und Pflanzenarten
- Bis jetzt wurden keine vollständigen fossilen Genome wieder hergestellt
- Selbst wenn ein vollständiges Genom wieder hergestellt werden kann, ist eine Klonierung nicht unbedingt möglich! (Dino Eizellen sind zur Zeit etwas knapp!)

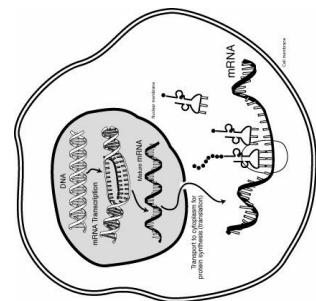


## molekulare Evolution

- Gene von 2400 Jahre alten Mumien, 30 Mio. Jahre alten Termiten und anderen fossilen Funden wurde bereits analysiert.

- Analyse gibt Einblicke in die Evolution dieser Tier- und Pflanzenarten
- Bis jetzt wurden keine vollständigen fossilen Genome wieder hergestellt
- Selbst wenn ein vollständiges Genom wieder hergestellt werden kann, ist eine Klonierung nicht unbedingt möglich! (Dino Eizellen sind zur Zeit etwas knapp!)

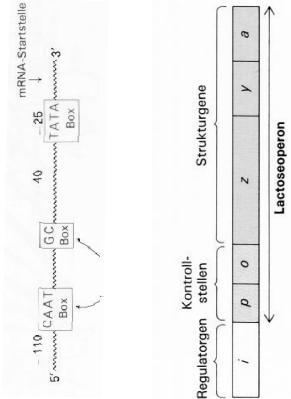
## Von DNA zu RNA



## Genstruktur in Prokaryonten

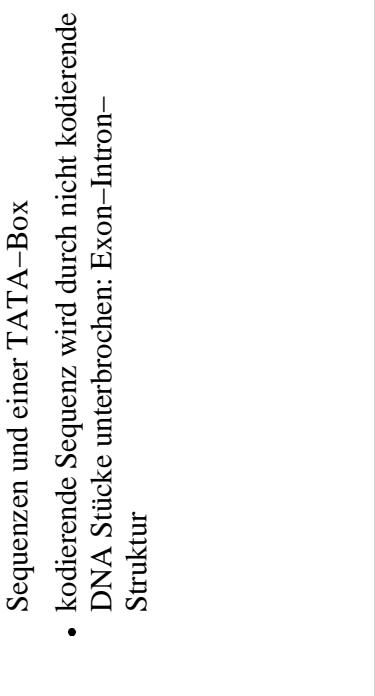
- Gene sind in sogenannten Operons organisiert.
- Operonstruktur:
  - zwei oder mehr stromaufwärts liegende aktivierende Sequenzen
  - TATA-Box als Erkennungsstelle für den Transkriptionskomplex
  - eigentliche kodierende Sequenz
  - meist werden mehrere Proteine in einem Operon kodiert

## Operonstruktur

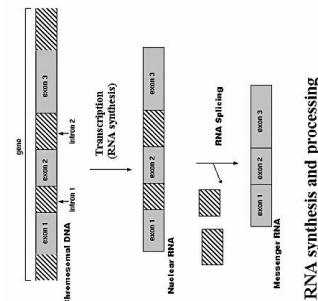


## Genstruktur in Eukaryonten

- besitzen ebenfalls Operons mit regulatorische Sequenzen und einer TATA-Box
- kodierende Sequenz wird durch nicht kodierende DNA Stücke unterbrochen. Exon–Intron–Struktur



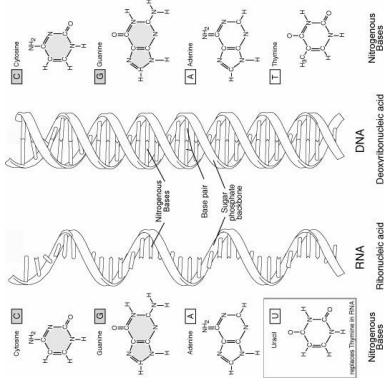
## Intron–Exon–Struktur



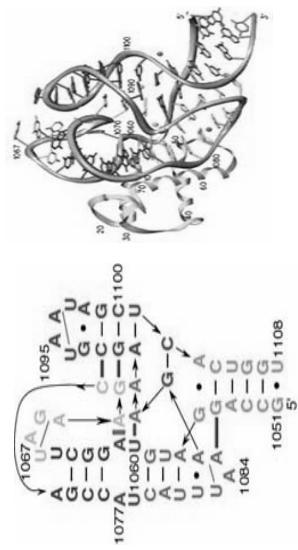
## Unterschiede DNA <→ RNA

- RNA liegt meist als Einzelstrang vor
- RNA Einzelstränge falten zu komplexen dreidimensionalen Strukturen (ähnlich Proteinen)
- RNA besteht aus Ribonukleinsäuren
- RNA besitzt Uracil anstelle von Thymin
- RNA kann als Enzym wirken

## Unterschiede DNA <→ RNA



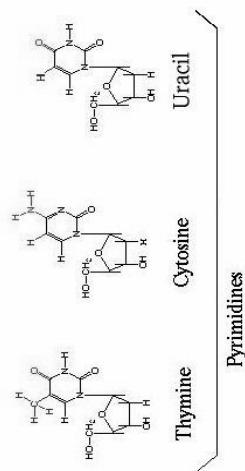
## RNA Struktur



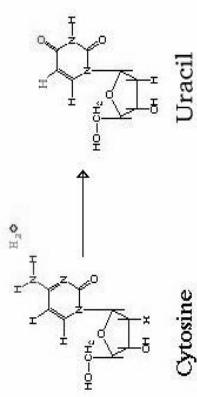
## Warum besitzt DNA T anstatt U?

- die Produktion von Thymin aus Uracil kostet die Zelle viel Energie
- Uracil speichert dieselbe Information wie Thymin
- Warum investiert die Zelle also so viel Energie in die Produktion von Thymin?

## Strukturformeln der Pyrimidine

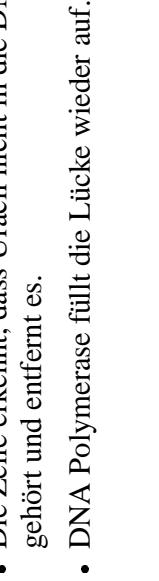


## Spontane Desaminierung von Cytidin



## Reparatur von Uracil in DNA

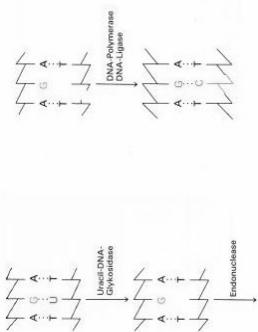
- Thymidin desaminiert häufig spontan zu Uracil
  - Die Zelle erkennt, dass Uracil nicht in die DNA gehört und entfernt es.
  - DNA Polymerase füllt die Lücke wieder auf.



## Reparatur von Uracil in DNA

- Als Transkription bezeichnet man die RNA-Synthese auf Basis einer DNA Matrize

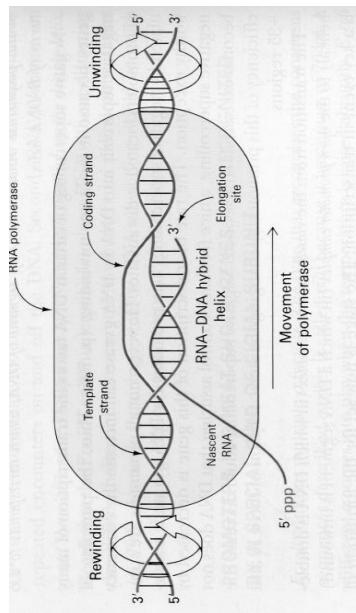
## Transkription



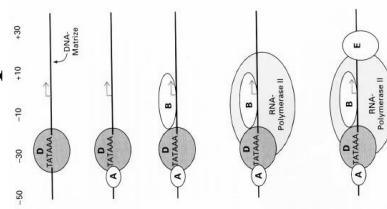
## Mechanismus der Transkription

- verschiedenen Proteine erkennen die TATA-Box und andere Regulatorsequenzen und binden daran.
- Bindung kann Transkription initiieren oder auch verhindern
- Proteine werden von RNA Polymerase erkannt und diese bindet.
- Transkription beginnt

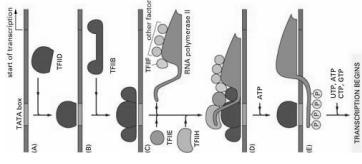
## Transkription



## Transkription



## Transkription



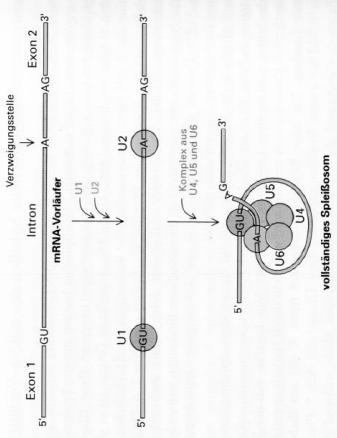
## RNA Typen

- mRNA: Messenger-RNA dient als Blaupause für die Synthese von Proteinen
- tRNA: Transfer-RNA liefert Aminosäurebausteine an die Ribosomen zur Proteinsynthese
- rRNA: Ribosomale RNA bildet zusammen mit verschiedenen Proteinen die Ribosomen
- snRNA: small nuklear RNA befindet sich im Zellkern, die Funktion ist nicht genau bekannt

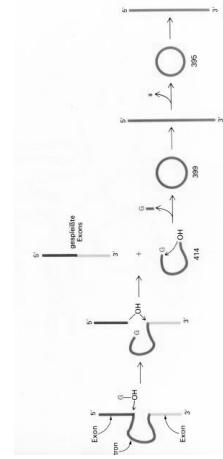
## Spleiessen

- frisch transkribierte mRNA in Eukaryonten besitzt noch Introns.
- Introns werden durch sogenannte Spleiessen entfernt.
  - Die meisten mRNAs werden durch Spleisosen prozessiert. Spleisosomen sind Komplexe aus Proteinen und RNA.
  - Manche mRNAs sind jedoch in der Lage, sich selbst zu spleissen.

## Spleisom



## Selbstspleiessen



## alternatives Spleißen

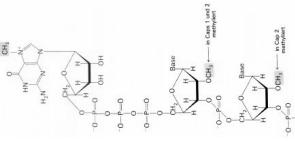
- dieselbe mRNA kann je nach Zelle und Umweltbedingungen unterschiedlich gespleisst werden.
- Aus derselben mRNA können unterschiedliche Proteine gebildet werden.
- -> aus der fertigen mRNA kann man nicht unbedingt die Sequenz der entsprechenden DNA ableiten!

## Posttranskriptional Modifikationen

- Spleißen
  - Capping
  - Polyadenylation
  - RNA Editing
  - ...

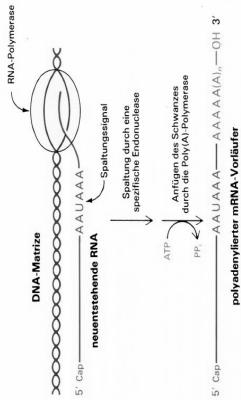
## Caping

- Noch während der Transkription erhält die mRNA ein 7-Methylguanylat.



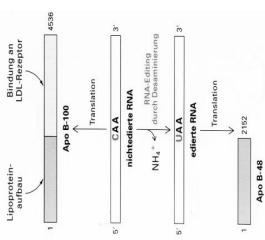
## Polyadenylierung

- die meisten mRNAs werden im Anschluss an ihre Synthese gespalten und erhalten einen Poly-A-Schwanz.



## RNA Editing

- chemische Veränderungen an einzelnen Basen in der fertigen mRNA führen zu einer Veränderung der Kodierung.



## Zusammenfassung

- Der Fluss der genetischen Information geht von DNA über RNA zum Protein.
- Reversetranskriptase aus Retroviren (AIDS) macht aus RNA wieder DNA
- Die Verdopplung der DNA in einer Zelle wird Replikation genannt.
- Die Replikation ist sehr genau und die Zelle besitzt viele Mechanismen, um Fehler in der DNA zu erkennen und zu reparieren.

## Zusammenfassung

- Die Synthese von RNA aus DNA bezeichnet man als Transkription, die Synthese von Protein aus mRNA als Translation.
- RNA wird nach der Synthese in mehreren Schritten chemisch verändert (Spleissen, Capping, Polyadenylation, ...)